

Молекулярно-генетическое исследование костных останков XXV-XXIII вв. до н.э. курганной группы «Ергенинский»

Научный руководитель – Корниенко Игорь Валериевич

Арамова Ольга Юрьевна

Студент (магистр)

Южный федеральный университет, Академия биологии и биотехнологии им. Дмитрия Иосифовича Ивановского, Кафедра генетики, Ростов-на-Дону, Россия

E-mail: aramova.olya@mail.ru

Изучение экспансии и миграции древних популяций - не единственное применение методов палеогенетического анализа в истории и археологии. Палеогенетика может пролить свет на социальные структуры древних популяций, выявить кровную и родственную иерархию, а также социальные отношения, которые существовали в семье и местных микропопуляциях [1]. Курганные группы предоставляют материал, который хорошо подходит для такого рода исследований. Точный анализ ДНК необходим для изучения генетического родства в погребении, а также для определения взаимоотношений между различными древними группами населения [2]. Курганная группа «Ергенинский» расположена в центральной части Ергенинской возвышенности, известной наиболее многочисленными и наиболее богатыми некрополями эпохи ранней бронзы, относящихся к катакомбной археологической культуре, датирующейся по данным последних радиоуглеродных дат в пределах XXV - XX вв. до н.э.

Молекулярно-генетические исследования костных останков позволили установить пол исследуемых индивидуумов после типирования локуса Amelogenin. Определен мужской пол скелетов двух взрослых людей из курганов «Ергенинский». В результате молекулярно-генетического исследования STR-локусов Y-хромосомы скелетов по 8 локусам (DYS456, DYS389I, DYS385a, DYS385b, DYS393, DYS391, DYS437, DYS448) установлено совпадение Y-гаплотипов. Таким образом, исследуемые скелеты могут иметь родство по отцовской линии. Стоит отметить, что мужчины, чьи кости из скелетов представлены на исследование, предположительно имеют гаплогруппу R1b, которая получила к настоящему времени наибольшее распространение на территории Западной Европы. Таким образом, нельзя исключать, что основная волна миграции родственников по мужской линии людей, чьи останки исследованы в настоящей работе, происходила в Центральную Европу.

Источники и литература

- 1) Корниенко И.В., Харламов С.Г. Методы исследования ДНК человека. Выделение ДНК и ее количественная оценка в аспекте судебно-медицинского исследования вещественных доказательств биологического происхождения. Ростов н/Д.: 2012.
- 2) Charlotte Lindqvist, Om P. Rajora. Paleogenomics: Genome-Scale Analysis of Ancient DNA (Population Genomics) 1st ed., 2019 Edition, Kindle Edition, p. 85-105.